



CONVENTION NATIONALE
DES CENTRES DE LUTTE
CONTRE LE CANCER

9^E PRIX UNICANCER
DE L'INNOVATION

CATÉGORIE
**DIGITAL/DATA AU
SERVICE DU PATIENT**

“FrOG (French OncoGenetics Database)”

○ **Laurent Castéra**, Praticien spécialiste
Centre François Baclesse, Caen

CONTEXTE

Afin de garantir une prise en charge optimale des familles suspectes de formes héréditaires de cancer, l'interprétation des variants génétiques identifiés dans les laboratoires d'oncogénétique doit être pertinente et harmonisée au niveau national. Pour améliorer le système actuel, le Groupe Génétique et Cancer - Unicancer (GGC) a initié et élaboré la base de données/projet FrOG (French OncoGenetics Database). L'objectif de FrOG est de centraliser de manière sécurisée les variants de gènes de prédisposition au cancer identifiés chez les patients vus en consultation d'oncogénétique (réseau français), dans une base de données permettant leur annotation, curation et expertise, au sein d'un environnement réglementaire maîtrisé pour les aspects de protection des données des patients (RGPD), et relatifs à la réglementation en vigueur concernant les données de santé. FrOG développe et maintient une suite logicielle qui s'articule autour d'une base de données, d'un pipeline de traitement et d'annotation des données, d'une API sécurisée et d'une interface web. L'application web de FrOG, accessible par les laboratoires d'oncogénétique membres, intègre 13350 variants de 13 gènes identifiés chez 47481 patients pouvant être appelés via un moteur de recherche. A terme, FrOG permettra la mise en relation dynamique du réseau d'experts en oncogénétique et une meilleure visibilité de l'expertise nationale. Pour en savoir plus : <https://frog-db.fr/>

OBJECTIFS

- 1- Organiser la collecte et la centralisation des variants génétiques associés aux cancers en oncogénétique dans le respect de la réglementation ;
- 2- Développer une base de données sécurisée regroupant les variants annotés ;
- 3- Faciliter la définition du niveau de pathogénicité des variants ;
- 4- Harmoniser l'interprétation des variants afin de codifier et harmoniser les choix thérapeutiques ou de surveillance des patients.

MOYENS ET MÉTHODES UTILISÉS

Ceci repose sur une gouvernance avec une assemblée générale, un comité de pilotage et des groupes de travail. Des modèles d'exploitation de la base permettront à d'autres structures de bénéficier du projet sans être membre du consortium. L'évolution vers un entrepôt de données de santé permettra d'ouvrir des accès à des projets de recherche.

BÉNÉFICES POUR LES PATIENTS ET/OU LES SALARIÉS

Pour les professionnels de santé, la base constitue un outil d'aide à l'interprétation des variants génétiques en centralisant les arguments de classification (gain de temps) et permet de partager les informations entre les Centres (harmonisation des pratiques). Pour les patients, FrOG contribue à l'amélioration du service médical rendu en harmonisant les choix thérapeutiques ou de surveillance.

